

name	array_id	SGN UnigenelD (5')	SGN UnigenelD (3')
Invertase			
AGP			
FruK			
SPS			
UGP			
PGM			
PGI			
SuSy			
G6PDH			
PPi-PFK			
ATP-PFK			
Aldolase			
PGK			
NAD-GAPDH			
NADP-GAPDH			
PEPC			
PK			
Aconitase			
NADP-IcDH			
SCS			
NAD-MDH			
NAD-GluDH			
AlaAT			
AspAT			
ShkDH			
8.3.8.2	1-1-8.3.8.2	SGN-U143525	SGN-U143525
2.4.11.13	1-1-2.4.11.13	SGN-U147087	SGN-U147087
3.3.10.9	1-1-3.3.10.9	SGN-U145972	No sequence
3.3.13.8	1-1-3.3.13.8	SGN-U147696	No sequence
1.1.7.16	1-1-1.1.7.16	SGN-U143521	SGN-U143521
6.2.8.7	1-1-6.2.8.7	SGN-U146799	SGN-U146799
6.3.4.6	1-1-6.3.4.6	SGN-U147576	SGN-U147576
3.2.4.10	1-1-3.2.4.10	SGN-U144786	SGN-U144786
6.4.20.4	1-1-6.4.20.4	SGN-U144594	SGN-U151013
6.4.20.20	1-1-6.4.20.20	SGN-U144275	SGN-U144275
6.4.3.1	1-1-6.4.3.1	SGN-U148507	SGN-U148507
6.2.2.18	1-1-6.2.2.18	SGN-U145142	SGN-U145142
8.4.8.6	1-1-8.4.8.6	SGN-U158344	SGN-U167448
7.2.2.6	1-1-7.2.2.6	SGN-U154315	SGN-U172887
3.1.20.1	1-1-3.1.20.1	SGN-U143651	SGN-U143650
3.4.16.6	1-1-3.4.16.6		SGN-U143650
5.1.11.21	1-1-5.1.11.21	SGN-U144361	SGN-U144361
3.4.1.12	1-1-3.4.1.12	SGN-U156526	SGN-U156526
7.1.8.9	1-1-7.1.8.9	SGN-U152482	SGN-U152482
1.2.13.14	1-1-1.2.13.14	SGN-U145076	SGN-U164623
7.3.4.18	1-1-7.3.4.18	SGN-U155555	SGN-U155555

4.3.14.11	1-1-4.3.14.11	SGN-U155555	SGN-U152164
2.2.1.21	1-1-2.2.1.21	SGN-U143148	SGN-U144995
1.3.4.13	1-1-1.3.4.13	SGN-U143148	SGN-U143148
3.3.3.6	1-1-3.3.3.6	SGN-U143147	SGN-U143147
6.3.3.5	1-1-6.3.3.5	SGN-U143225	SGN-U143225
4.2.12.10	1-1-4.2.12.10		SGN-U143816
8.1.13.10	1-1-8.1.13.10	SGN-U157212	No sequence
1.4.15.4	1-1-1.4.15.4	SGN-U143322	No sequence
7.2.9.1	1-1-7.2.9.1	SGN-U143206	SGN-U143206
1.3.1.20	1-1-1.3.1.20	SGN-U145503	SGN-U143206
5.3.16.4	1-1-5.3.16.4	SGN-U160759	No sequence
6.4.19.19	1-1-6.4.19.19	SGN-U143773	SGN-U143773
8.4.10.12	1-1-8.4.10.12	SGN-U143207	No sequence
1.1.4.2	1-1-1.1.4.2	SGN-U144755	SGN-U144755
3.2.9.19	1-1-3.2.9.19	SGN-U161238	SGN-U144755
8.4.6.9	1-1-8.4.6.9	SGN-U148769	SGN-U148769
6.4.11.11	1-1-6.4.11.11	SGN-U149386	SGN-U149386
3.3.11.20	1-1-3.3.11.20	SGN-U152470	No sequence
4.4.17.4	1-1-4.4.17.4		SGN-U144490
5.4.11.11	1-1-5.4.11.11	SGN-U145053	No sequence
6.4.11.16	1-1-6.4.11.16	SGN-U150394	SGN-U150394
2.4.16.16	1-1-2.4.16.16	SGN-U144226	No sequence
4.4.3.16	1-1-4.4.3.16	SGN-U144227	SGN-U144227
4.4.11.21	1-1-4.4.11.21	SGN-U147664	No sequence
7.2.19.4	1-1-7.2.19.4	SGN-U148917	SGN-U148917
1.2.9.12	1-1-1.2.9.12	SGN-U151102	SGN-U151102
4.3.6.2	1-1-4.3.6.2	SGN-U144621	SGN-U144621
6.3.4.13	1-1-6.3.4.13	SGN-U161839	SGN-U146382
3.2.3.1	1-1-3.2.3.1	SGN-U144999	SGN-U144999
7.2.2.17	1-1-7.2.2.17	SGN-U143879	SGN-U143879
4.4.4.6	1-1-4.4.4.6	SGN-U144160	SGN-U144160
5.3.6.16	1-1-5.3.6.16	SGN-U144453	SGN-U144453
8.2.11.11	1-1-8.2.11.11	SGN-U160059	No sequence
6.4.19.11	1-1-6.4.19.11	SGN-U148418	SGN-U148418
4.1.20.9	1-1-4.1.20.9	SGN-U143240	No sequence
3.2.18.15	1-1-3.2.18.15	SGN-U143239	No sequence
3.1.17.4	1-1-3.1.17.4	SGN-U146666	No sequence
5.1.13.7	1-1-5.1.13.7	SGN-U144328	SGN-U144328
4.4.1.16	1-1-4.4.1.16	SGN-U146367	No sequence
7.1.4.17	1-1-7.1.4.17	SGN-U145367	SGN-U145367

description	Invertase	AGP	FruK	SPS	UGP	PGM	PGI	SuSy	G6PDH	PPi-PFK
	0	0,6298	-0,6452	0,2709	-0,7528	0,8431	-0,5325	-0,8774	0,9777	-0,6082
	0,6298	0	0,0788	0,0035	0,0015	0,2883	0,1002	0,0198	0,0407	0,0567
	-0,6452	0,0788	0	0,1956	0,0085	0,0144	0,0158	4E-006	0,0142	0,0015
	0,2709	0,0035	0,1956	0	0,0168	0,4405	0,3061	0,0607	0,0885	0,1085
	-0,7528	0,0015	0,0085	0,0168	0	0,0394	0,0063	0,0013	0,0036	0,0006
	0,8431	0,2883	0,0144	0,4405	0,0394	0	0,0153	0,0154	0,0157	0,0069
	-0,5325	0,1002	0,0158	0,3061	0,0063	0,0153	0	0,0058	5E-005	0,0257
	-0,8774	0,0198	4E-006	0,0607	0,0013	0,0154	0,0058	0	0,0022	0,0011
	0,9777	0,0407	0,0142	0,0885	0,0036	0,0157	5E-005	0,0022	0	0,0307
	-0,6082	0,0567	0,0015	0,1085	0,0006	0,0069	0,0257	0,0011	0,0307	0
	0,1845	0,0039	0,2759	0,0421	0,0895	0,4285	0,5071	0,1741	0,2304	0,3578
	-0,9281	0,1566	0,0962	0,0965	0,0263	0,1186	0,4033	0,0769	0,3394	0,0015
	-0,7225	0,1039	0,0563	0,3016	0,0143	0,0231	0,0055	0,0477	0,0094	0,0677
	0,7162	0,0364	0,0124	0,0439	0,001	0,0026	0,0221	0,0033	0,0103	0,0001
	-0,4988	0,02	0,0002	0,1426	0,0012	0,0598	0,0223	0,0003	0,0194	0,0019
	0,1913	0,206	0,0399	0,1149	0,0516	0,0077	0,0864	0,0162	0,0312	0,0034
	0,2893	0,0115	0,1413	0,0646	0,0427	0,1473	0,0657	0,0549	0,0076	0,2723
	0,5199	0,2336	-0,7562	0,4311	0,8425	-0,426	-0,9817	-0,9008	0,8117	-0,3717
	0,1659	0,711	-0,1991	0,7271	-0,4224	-0,1824	-0,1759	-0,35	-0,4919	-0,1561
	0,8791	0,5905	0,5909	0,8117	0,854	0,563	-0,7168	0,6472	-0,8396	0,6304
	-0,5051	0,0158	0,0003	0,1162	0,0012	0,0472	0,0234	0,0002	0,0122	0,0027
	0,446	0,069	0,4621	0,2114	0,098	0,305	0,0322	0,2136	0,0146	0,4416
	0,1615	0,0364	0,3016	0,0628	0,0663	0,1082	0,3233	0,1862	0,1011	0,2081
	0,2632	0,023	0,1354	0,0782	0,0208	0,0312	0,1076	0,0522	0,0361	0,0377
	0,2623	0,0568	0,3766	0,1388	0,1413	0,3028	0,1301	0,1907	0,0221	0,564
ACID BETA-F	-0,79	-0,4882	-0,0299	-0,6486	-0,3654	-0,1634	-0,7919	-0,0927	-0,7085	-0,0839
beta-fructofur	-0,1899	0,492	0,4281	0,3648	0,164	0,8234	0,9271	0,4815	-0,9174	0,0897
unknown [Ara	0,4922	0,0736	0,7845	0,4988	0,3692	0,8864	-0,8176	0,6887	-0,9733	0,5266
invertase - lik	-0,5833	0,1201	0,4219	0,2293	0,1012	0,8367	-0,9689	0,4109	-0,9103	0,1001
ACID BETA-F	-0,5227	-0,1994	-0,0304	-0,151	-0,0918	-0,2056	-0,3269	-0,0395	-0,3133	-0,0636
invertase inhi	-0,405	-0,689	-0,7545	-0,4515	-0,9677	0,8421	0,1209	-0,9415	0,2653	-0,6774
ADP-glucose	0,4038	-0,913	0,905	-0,8652	-0,3976	-0,4931	-0,5172	0,9191	-0,5171	-0,6183
glucose-1-ph	0,1221	0,1033	0,0446	0,2287	0,1569	0,0984	0,3341	0,073	0,1796	0,0352
pfkB type car	-0,4455	-0,2218	-0,8014	-0,1748	-0,5286	0,8002	0,4843	-0,6245	0,9164	-0,5603
fructokinase [	0,6294	0,2881	0,0093	0,6097	0,1088	0,0147	0,1619	0,0317	0,2221	0,0377
Phosphogluc	-0,398	-0,3767	0,9557	-0,2387	-0,6545	0,9939	0,2194	-0,9854	0,6135	-0,6813
Glucose-6-ph	0,8864	0,1657	0,934	0,1538	0,3752	-0,361	-0,5025	0,7628	-0,5919	0,4677
sucrose synth	0,9582	-0,5683	-0,2902	-0,2033	-0,3483	-0,9317	-0,3174	-0,2417	-0,3383	-0,3154
glutaredoxin p	0,8589	-0,1992	-0,1659	-0,1262	-0,0363	-0,2346	-0,334	-0,1803	-0,3603	-0,0597
sucrose synth	0,2335	-0,259	-0,0273	-0,4106	-0,2096	-0,6777	-0,432	-0,0624	-0,4017	-0,2187
sucrose synth	0,8103	-0,2233	-0,0017	-0,3133	-0,0055	-0,0211	-0,0402	-0,0043	-0,0261	-0,0007
Glucose-6-ph	-0,8071	-0,0626	-0,7765	-0,0333	-0,0681	-0,8776	-0,8756	-0,519	-0,576	-0,2264
pyrophosphat	0,3556	0,7757	-0,6504	0,5313	-0,8676	-0,9313	-0,3751	-0,7071	-0,6392	-0,7551
pyrophosphat	-0,3959	-0,2016	-0,1454	-0,3379	-0,2997	-0,0076	-0,4156	-0,1627	-0,259	-0,251
Pyrophosphat	-0,8755	0,3197	0,0611	0,5313	0,059	0,1073	0,247	0,0955	0,2591	0,0285
plastidic ald	-0,1548	-0,7467	0,1757	-0,4562	0,366	0,1247	0,0106	0,2565	0,1144	0,2584

plastidic aldol	-0,5487	0,4915	-0,4014	0,7505	0,4532	-0,9022	0,1226	-0,7721	0,2889	-0,8868
plastidic aldol	-0,0565	-0,2764	0,3145	-0,0801	-0,8518	0,5098	0,8819	0,7676	-0,5568	0,4381
plastidic aldol	-0,2958	-0,3791	-0,8383	-0,7525	-0,9249	-0,6781	0,5984	-0,7537	0,8897	-0,8295
plastidic aldol	-0,9752	-0,5582	-0,4136	-0,8656	-0,9352	0,8349	-0,6713	-0,4633	-0,4456	0,6627
fructose-bisph	-0,976	-0,5731	-0,1021	-0,886	-0,5392	-0,3288	-0,4494	-0,1802	-0,2676	-0,5804
na	0,4932	-0,2218	-0,0056	-0,5285	-0,1798	-0,2914	-0,3365	-0,0258	-0,2842	-0,1364
Glyceraldehyd	0,5013	-0,1776	-0,3858	-0,1841	-0,3673	0,4872	-0,7179	-0,3075	-0,4566	-0,7941
glyceraldehyd	0,2513	-0,2463	-0,2077	-0,7111	-0,3453	-0,9878	-0,1923	-0,2032	-0,1759	-0,786
Glyceraldehyd	-0,2506	-0,4809	0,4183	-0,3668	0,6277	0,2669	0,2943	0,6381	0,3953	0,4248
hypothetical p	0,8592	-0,7704	0,0437	-0,768	0,8814	0,2604	0,4227	0,1546	0,5375	0,2892
Glyceraldehyd	-0,4836	-0,9461	-0,9247	-0,5251	0,8307	0,9279	0,772	-0,8004	-0,9136	0,8551
Glyceraldehyd	-0,741	0,4108	0,2964	0,6194	0,2182	0,4622	-0,9852	0,4653	-0,8955	0,1187
Glyceraldehyd	-0,3144	-0,5479	0,3899	-0,2126	0,9124	0,3347	0,0796	0,5461	0,3436	0,6857
phosphoenolp	-0,8244	-0,9216	0,08	-0,9852	0,3907	0,092	0,4	0,273	0,4269	0,0985
phosphoenolp	0,9117	0,1838	0,0227	0,415	0,0114	0,0179	4E-005	0,0061	0,0011	0,0102
phosphoenolp	0,5981	0,2993	0,0754	0,484	0,0801	0,0115	0,1493	0,1075	0,0895	0,0624
Similar to gb	-0,4535	0,2475	0,0212	0,4232	0,0239	0,1088	0,272	0,0503	0,4315	0,0015
PHOSPHOEN	-0,7837	0,0321	0,0313	0,1521	0,0018	0,0614	0,0827	0,0284	0,1964	0,0013
pyruvate kina	0,1142	-0,554	-0,1935	0,9889	-0,5343	0,9666	-0,2382	-0,2309	-0,2667	-0,8002
pyruvate kina	0,5924	-0,7138	-0,0842	-0,6222	-0,1292	-0,0362	-0,128	-0,1703	-0,214	-0,0691
Pyruvate kina	-0,7933	0,6576	0,1394	0,698	0,1438	0,0621	0,0266	0,2589	0,1352	0,135
aconitase [Ly	-0,6318	-0,8478	-0,1003	-0,2215	-0,5316	-0,6127	-0,7403	-0,1214	-0,5111	-0,2703
cytosolic acor	0,8894	-0,1244	-0,0014	-0,3714	-0,0827	-0,1102	-0,2151	-0,0072	-0,151	-0,0462
hypothetical p	-0,6547	0,6044	-0,1207	0,7772	0,8864	-0,3619	0,8232	-0,3732	0,7903	-0,4565
aconitase fam	-0,7656	-0,4061	0,9247	-0,1458	-0,4794	0,671	0,3776	-0,9634	0,7032	-0,5706
isocitrate deh	-0,586	-0,1329	-0,4514	-0,096	-0,3462	0,931	-0,829	-0,3099	-0,7563	-0,4284
probable isoc	-0,6929	0,6417	0,4818	0,4408	0,0293	-0,4878	-0,7163	0,4456	-0,676	0,2175
NAD-depende	0,3067	0,5549	-0,1978	-0,8968	-0,1852	-0,9341	-0,5482	-0,4779	-0,9803	-0,0169
succinyl CoA	-0,577	-0,8868	-0,3633	-0,5217	-0,9726	0,9675	0,2963	-0,5609	0,402	-0,4807
putative mitoc	-0,7904	-0,3719	-0,3554	-0,8611	-0,4839	-0,2929	-0,8918	-0,3839	-0,7321	-0,3178
malate dehyd	-0,822	0,6488	-0,1213	0,5227	0,9216	-0,1979	0,9533	-0,4048	0,8021	-0,4234
Malate dehyd	-0,7276	-0,2198	-0,1998	-0,4801	-0,3271	-0,4107	-0,2825	-0,1271	-0,3629	-0,3355
Glutamate de	-0,9758	-0,0708	-0,0202	-0,2294	-0,0077	-0,0219	-0,1798	-0,031	-0,1693	-0,0041
alanine:glyoxy	0,6943	-0,0818	-0,1484	-0,3253	-0,2391	-0,9448	-0,4432	-0,1466	-0,2657	-0,6016
putative alani	-0,9274	-0,7391	-0,0386	-0,9517	-0,5892	-0,1827	-0,9586	-0,1545	0,9623	-0,115
putative alani	-0,4881	0,8627	-0,0238	-0,8856	-0,7531	-0,1076	-0,782	-0,112	-0,6892	-0,2145
aspartate ami	-0,5018	0,4352	-0,5142	0,5195	0,3148	-0,7643	0,3464	-0,907	0,3356	0,9295
aspartate tran	0,1442	-0,5412	-0,1922	-0,8762	-0,6503	0,6244	-0,5955	-0,265	-0,6258	-0,803
aspartate tran	0,3674	-0,7862	-0,5148	0,6407	-0,9769	0,8102	-0,3758	-0,5525	-0,3708	0,6194
Asp aminotra	-0,7217	-0,0437	-0,0564	-0,2041	-0,0219	-0,1046	-0,4433	-0,0507	-0,3112	-0,0177

ATP-PFK	Aldolase	PGK	NAD-GAPDH	NADP-GAPDH	PEPC	PK	Aconitase	NADP-IcDH	SCS	NAD-MDH	NAD-GluDH
0,1845	-0,9281	-0,7225	0,7162	-0,4988	0,1913	0,2893	0,5199	0,1659	0,8791	-0,5051	0,446
0,0039	0,1566	0,1039	0,0364	0,02	0,206	0,0115	0,2336	0,711	0,5905	0,0158	0,069
0,2759	0,0962	0,0563	0,0124	0,0002	0,0399	0,1413	-0,7562	-0,1991	0,5909	0,0003	0,4621
0,0421	0,0965	0,3016	0,0439	0,1426	0,1149	0,0646	0,4311	0,7271	0,8117	0,1162	0,2114
0,0895	0,0263	0,0143	0,001	0,0012	0,0516	0,0427	0,8425	-0,4224	0,854	0,0012	0,098
0,4285	0,1186	0,0231	0,0026	0,0598	0,0077	0,1473	-0,426	-0,1824	0,563	0,0472	0,305
0,5071	0,4033	0,0055	0,0221	0,0223	0,0864	0,0657	-0,9817	-0,1759	-0,7168	0,0234	0,0322
0,1741	0,0769	0,0477	0,0033	0,0003	0,0162	0,0549	-0,9008	-0,35	0,6472	0,0002	0,2136
0,2304	0,3394	0,0094	0,0103	0,0194	0,0312	0,0076	0,8117	-0,4919	-0,8396	0,0122	0,0146
0,3578	0,0015	0,0677	0,0001	0,0019	0,0034	0,2723	-0,3717	-0,1561	0,6304	0,0027	0,4416
0	0,4922	0,1434	0,207	0,1019	0,4225	0,0035	0,0486	0,3533	0,5715	0,0978	0,1534
0,4922	0	0,5428	0,0032	0,0623	0,0046	0,6539	-0,1623	-0,4668	0,6742	0,0787	0,7853
0,1434	0,5428	0	0,0707	0,0353	0,3143	0,0469	0,3551	-0,1518	-0,7872	0,0409	0,1433
0,207	0,0032	0,0707	0	0,0134	0,0004	0,0904	-0,4498	-0,3661	0,8299	0,0168	0,1293
0,1019	0,0623	0,0353	0,0134	0	0,1281	0,0634	0,9196	-0,3531	0,9149	1E-005	0,2516
0,4225	0,0046	0,3143	0,0004	0,1281	0	0,1098	-0,3242	-0,5973	0,8501	0,1352	0,1341
0,0035	0,6539	0,0469	0,0904	0,0634	0,1098	0	0,1617	0,489	-0,924	0,0443	0,006
0,0486	-0,1623	0,3551	-0,4498	0,9196	-0,3242	0,1617	0	0,3196	-0,8709	0,8827	0,4628
0,3533	-0,4668	-0,1518	-0,3661	-0,3531	-0,5973	0,489	0,3196	0	0,4393	-0,5774	0,7521
0,5715	0,6742	-0,7872	0,8299	0,9149	0,8501	-0,924	-0,8709	0,4393	0	0,5631	-0,2769
0,0978	0,0787	0,0409	0,0168	1E-005	0,1352	0,0443	0,8827	-0,5774	0,5631	0	0,315
0,1534	0,7853	0,1433	0,1293	0,2516	0,1341	0,006	0,4628	0,7521	-0,2769	0,315	0
0,0013	0,2671	0,0642	0,0556	0,1345	0,1481	0,0018	0,3008	0,5574	0,8837	0,1091	0,0922
0,05	0,0486	0,2177	0,0017	0,0735	0,0096	0,0125	-0,8128	0,7042	0,7855	0,0684	0,0228
0,0181	0,9205	0,1232	0,2143	0,1935	0,1582	6E-006	0,1737	0,2981	-0,674	0,1479	0,0029
-0,2761	-0,1003	-0,6128	-0,1605	-0,0491	-0,2024	-0,5891	0,533	0,4878	-0,5444	-0,0951	0,7175
-0,8575	0,0229	0,7734	0,3262	0,2186	-0,9458	-0,3765	-0,3255	-0,2879	0,7511	0,2226	-0,3871
0,0512	0,2573	-0,9421	0,4027	0,2357	0,7066	0,2308	0,8202	0,2881	0,7207	0,312	0,3033
0,5714	0,012	0,9944	0,2405	0,159	0,5876	-0,7582	-0,4734	-0,8059	0,5464	0,1614	-0,6672
-0,2289	-0,0557	-0,2749	-0,0412	-0,0133	-0,1028	-0,3835	0,4683	0,3796	0,556	-0,1128	-0,4136
-0,2192	-0,2362	0,6273	-0,795	-0,5603	-0,9933	0,8622	-0,916	-0,7548	-0,5111	-0,6712	0,2445
-0,7968	-0,7557	-0,0707	-0,6808	-0,7101	0,7715	-0,6304	-0,6694	0,5559	0,7973	-0,4993	-0,9081
0,1037	0,0482	0,8017	0,0703	0,1284	0,0633	0,092	-0,6072	0,4933	0,4534	0,0014	0,5256
-0,3356	-0,1286	0,2749	-0,4496	-0,4624	-0,5443	-0,5281	0,5999	-0,1295	-0,6994	-0,3757	-0,7816
0,2344	0,1675	0,0551	0,0384	0,012	0,0933	0,3277	-0,654	-0,1183	0,9319	0,0572	0,5266
-0,1223	-0,2668	0,6606	-0,6562	-0,7422	-0,9219	-0,6127	-0,7221	-0,1421	-0,0733	-0,4613	0,5498
0,6274	0,1756	-0,2692	0,6417	0,7411	0,8459	-0,6633	0,9527	0,7271	0,631	0,6856	-0,6261
0,7478	-0,2018	0,7074	-0,3152	-0,3381	-0,3829	0,963	0,1994	0,5849	0,4717	-0,4702	-0,63
-0,5583	-0,1031	-0,0855	-0,1255	-0,1833	-0,3772	-0,8994	0,9219	0,1115	-0,7746	-0,1811	0,812
-0,405	-0,6151	-0,3164	-0,6617	-0,0358	0,9531	-0,5635	-0,4881	0,55	-0,4433	-0,0207	0,565
-0,6835	-0,0052	-0,217	-0,0011	0	-0,016	-0,3134	0,0608	0,2797	-0,9969	0	-0,3071
-0,1401	-0,0443	-0,5563	-0,1786	-0,1846	-0,6444	-0,3255	-0,8113	-0,716	0,689	-0,1759	-0,4941
0,2352	0,9921	-0,9966	-0,8197	-0,4225	-0,8026	0,866	0,2415	0,369	0,0842	-0,908	-0,3577
-0,2737	-0,2982	-0,6012	-0,1675	-0,3368	-0,2293	-0,296	0,5571	-0,3198	-0,203	-0,1021	-0,7204
0,3131	0,0312	0,1427	0,0313	0,0008	0,1952	0,3062	-0,3902	-0,2606	-0,4581	0,019	0,3692
-0,2997	0,8132	0,1048	0,3449	0,2307	0,4655	0,9364	-0,2269	-0,0161	-0,1455	0,3672	0,3764

0,9594	-0,6515	0,2749	0,9439	-0,8466	-0,7214	0,4927	0,3033	0,9879	-0,4504	-0,9136	0,1321
-0,1966	0,6513	0,9581	0,9703	0,4759	-0,8135	-0,1073	-0,0726	-0,0736	0,6026	0,6178	-0,179
-0,2513	-0,631	0,4844	-0,7041	-0,9028	-0,5858	-0,449	0,9069	-0,055	-0,021	-0,4677	0,9471
-0,2247	0,2567	-0,6085	0,5997	-0,4126	0,7715	-0,1372	-0,0768	-0,2385	-0,8552	-0,2955	-0,6571
-0,1531	0,9005	-0,2156	-0,6516	-0,0851	-0,6088	-0,0732	-0,4197	-0,9342	0,9956	-0,0724	-0,6492
-0,1806	-0,5096	-0,2034	-0,3975	-0,0081	-0,6403	-0,2639	-0,5824	0,6033	-0,4235	-0,0055	0,85
-0,3526	0,9994	-0,8404	0,9205	-0,2443	0,6607	-0,3323	-0,1994	-0,3665	-0,7243	-0,1352	-0,8728
-0,3884	0,4698	-0,2743	0,9075	-0,1399	0,702	-0,1636	-0,1336	-0,7737	-0,8563	-0,0775	-0,4713
-0,6463	0,5894	0,3214	0,5017	0,2431	0,7174	0,7342	-0,2016	-0,3215	-0,4841	0,268	0,6624
-0,6009	0,5648	0,9695	0,4279	0,28	0,1764	-0,8919	-0,0774	-0,1872	-0,9502	0,5109	0,908
0,841	0,8824	0,3416	0,9626	0,5309	-0,7031	0,8905	0,9661	-0,4744	-0,4799	0,7451	0,681
0,2663	0,0518	0,3522	0,2428	0,0484	0,7836	0,9131	-0,7668	-0,347	-0,9356	0,1416	-0,7603
-0,2612	-0,7355	0,5364	0,7896	0,6505	0,6766	-0,8059	-0,2588	-0,174	-0,5963	0,7781	0,5259
0,6801	0,1198	0,2085	0,2159	0,0521	0,3551	0,4908	-0,2995	-0,1266	-0,5863	0,1125	0,8577
0,7246	0,1734	0,0555	0,0124	0,0382	0,0237	0,1149	-0,4578	-0,2049	-0,7239	0,0508	0,0339
0,5752	0,4319	0,0539	0,1302	0,2292	0,178	0,3152	0,9987	-0,2844	0,7397	0,111	0,432
0,6357	0,0032	0,1976	0,0265	0,0023	0,1046	0,966	-0,2101	-0,0713	0,8744	0,0141	-0,9991
0,2218	0,005	0,1321	0,0086	0,0037	0,1228	0,4452	-0,5166	-0,313	0,6796	0,0058	0,5074
-0,8936	0,4758	-0,5044	0,7809	-0,2045	0,687	-0,4558	-0,4358	0,9888	-0,8024	-0,1207	-0,8029
0,9253	-0,3432	-0,0347	-0,1749	-0,2634	-0,4024	-0,9994	0,6583	0,0191	-0,7784	-0,1197	0,824
0,564	0,2458	0,044	0,131	0,0436	0,4571	0,3746	-0,735	-0,0966	-0,2166	0,0455	0,3741
0,858	-0,1552	0,7351	-0,256	-0,2694	-0,1396	-0,9502	0,1264	0,5091	0,5694	-0,3965	-0,9698
-0,0776	-0,2199	-0,1527	-0,1089	-0,0009	-0,2304	-0,102	-0,8223	0,5929	-0,6654	-0,0022	-0,6338
-0,9097	-0,5182	-0,8949	-0,6034	-0,3409	-0,4352	0,713	0,3743	0,2219	-0,9006	-0,5924	0,3635
-0,38	-0,1164	0,8616	-0,6017	-0,5891	-0,9858	-0,8653	-0,8474	-0,6262	0,5543	-0,4488	0,6343
-0,6759	-0,3489	0,5196	-0,4279	-0,6957	-0,4237	-0,9826	0,9107	-0,8811	-0,6271	-0,6574	-0,8479
-0,5117	0,1291	-0,0798	0,4639	0,8652	0,3079	-0,2402	-0,4887	-0,6799	0,428	0,6838	-0,2012
0,0339	-0,0668	0,6525	-0,3345	-0,3845	-0,6652	0,1752	0,0211	0,1587	0,9777	-0,0868	0,0429
-0,7286	-0,1878	0,386	-0,6689	-0,4658	-0,6622	0,5134	0,4602	0,8024	-0,6442	-0,6404	0,2211
-0,4571	-0,2606	0,8558	-0,3254	-0,369	-0,4005	-0,4856	0,344	-0,3624	-0,0767	-0,125	-0,9991
-0,8564	-0,6374	-0,6537	-0,6257	-0,3851	-0,5174	0,7218	0,4446	0,2244	-0,4172	-0,5068	0,2986
-0,9273	-0,604	-0,8759	-0,3134	-0,5994	-0,2183	-0,9526	0,6772	0,7421	-0,0834	-0,5434	-0,7146
-0,321	-0,0226	-0,1219	-0,0141	-0,0318	-0,0858	-0,4391	0,4476	0,394	-0,2585	-0,0056	-0,8643
-0,0481	0,9123	-0,2994	-0,8198	-0,0545	0,8828	-0,0563	-0,0679	-0,4571	-0,7001	-0,0291	-0,5325
-0,8359	-0,1218	0,8813	-0,2613	-0,1355	-0,2556	0,7426	0,1062	0,5224	-0,1388	-0,1321	0,4242
-0,8171	-0,3125	-0,705	-0,2628	-0,198	-0,1287	-0,9172	0,218	0,2716	-0,6635	-0,2631	0,5664
0,9802	0,8743	0,5856	0,7458	0,8746	-0,864	0,4022	0,6665	0,7484	-0,3112	0,8379	0,0833
-0,8539	0,675	-0,8775	0,6608	-0,2046	0,5352	-0,7841	-0,4658	0,9954	-0,6883	-0,1571	0,7285
-0,7776	0,1146	-0,6044	0,4538	-0,5	0,5449	-0,3011	-0,2268	-0,5938	0,9879	-0,3642	-0,5339
-0,2963	-0,0151	-0,5877	-0,0232	-0,0525	-0,0777	-0,3852	0,2818	-0,8156	-0,3022	-0,0095	-0,6744

AlaAT	AspAT	ShkDH
0,1615	0,2632	0,2623
0,0364	0,023	0,0568
0,3016	0,1354	0,3766
0,0628	0,0782	0,1388
0,0663	0,0208	0,1413
0,1082	0,0312	0,3028
0,3233	0,1076	0,1301
0,1862	0,0522	0,1907
0,1011	0,0361	0,0221
0,2081	0,0377	0,564
0,0013	0,05	0,0181
0,2671	0,0486	0,9205
0,0642	0,2177	0,1232
0,0556	0,0017	0,2143
0,1345	0,0735	0,1935
0,1481	0,0096	0,1582
0,0018	0,0125	6E-006
0,3008	-0,8128	0,1737
0,5574	0,7042	0,2981
0,8837	0,7855	-0,674
0,1091	0,0684	0,1479
0,0922	0,0228	0,0029
0	0,0073	0,0054
0,0073	0	0,0271
0,0054	0,0271	0
-0,3528	-0,2912	-0,9294
-0,9393	0,9285	-0,2318
0,1518	0,0703	0,2793
0,7152	0,4247	-0,4864
-0,2212	-0,1354	-0,5648
-0,4159	-0,8336	0,6629
-0,2855	-0,8945	-0,5976
0,0771	0,0432	0,1422
-0,4136	-0,1932	-0,5048
0,1953	0,1314	0,6735
-0,1232	-0,4809	-0,7112
-0,9676	0,8372	-0,4898
0,8097	-0,641	0,9307
-0,4454	-0,6125	0,6908
-0,8529	0,8157	-0,8949
-0,2734	-0,0305	-0,4806
-0,0945	-0,1781	-0,3765
0,3326	-0,8967	0,9666
-0,172	-0,1016	-0,4296
0,1278	0,0791	0,4505
-0,7313	0,7685	0,9805

0,7825	0,8283	0,3738
-0,2418	-0,5445	-0,0549
-0,3813	-0,219	-0,5426
-0,5153	0,9356	-0,1277
-0,1564	-0,535	-0,0981
-0,4217	-0,6632	-0,5314
-0,8001	0,8889	-0,371
-0,8011	0,9405	-0,1991
0,6474	0,6069	0,6065
-0,5908	0,7581	-0,6847
0,7121	0,8374	0,814
0,2656	0,4374	-0,8101
-0,3414	0,9887	-0,7749
0,2139	0,4395	0,5167
0,4309	0,0822	0,1878
0,4451	0,3576	0,5372
0,5055	0,2557	-0,6585
0,1759	0,0685	0,7539
0,6905	0,6431	-0,5066
-0,7077	-0,8357	0,6823
0,1654	0,2597	0,4377
-0,9522	-0,6004	0,9751
-0,1532	-0,1837	-0,2655
-0,9524	-0,9902	0,473
-0,3277	-0,6365	-0,8992
0,9119	-0,5838	0,8166
-0,1302	-0,4214	-0,1616
0,1682	0,1129	0,2219
0,9794	-0,9848	0,3186
-0,3875	-0,114	-0,6165
-0,8982	-0,9509	0,4288
0,7715	-0,4937	0,6787
-0,192	-0,0872	-0,8466
-0,2598	-0,6466	-0,0971
-0,9466	-0,4803	0,4193
-0,6769	-0,5781	0,7823
0,7151	0,6123	0,1817
0,4887	0,4451	-0,9357
0,8487	0,6642	-0,2523
-0,2449	-0,0292	-0,6351