



HAL
open science

Génotypage de microsatellites par séquençage : aspects méthodologiques et analytiques

Olivier Lepais, Christophe Boury, Emilie Chancerel, Aurélie Manicki, Franck Salin, Laura Taillebois, Cécile Fanny Emilie Bacles, Erwan Guichoux

► To cite this version:

Olivier Lepais, Christophe Boury, Emilie Chancerel, Aurélie Manicki, Franck Salin, et al.. Génotypage de microsatellites par séquençage : aspects méthodologiques et analytiques. Réunion du réseau de génétique du Département EFPA, May 2018, Avignon, France. hal-02791698

HAL Id: hal-02791698

<https://hal.inrae.fr/hal-02791698v1>

Submitted on 5 Jun 2020

HAL is a multi-disciplinary open access archive for the deposit and dissemination of scientific research documents, whether they are published or not. The documents may come from teaching and research institutions in France or abroad, or from public or private research centers.

L'archive ouverte pluridisciplinaire **HAL**, est destinée au dépôt et à la diffusion de documents scientifiques de niveau recherche, publiés ou non, émanant des établissements d'enseignement et de recherche français ou étrangers, des laboratoires publics ou privés.

Réunion du réseau de génétique du Département EFPA

14-15 mai 2018 – UR Écologie des Forêts Méditerranéennes – Avignon

Salle Belvédère

Lundi 14 mai

- 13:30 Accueil des participants
- 14:00 Mathieu Gautier, CBGP (Montpellier)
Méthodes de caractérisation de la consanguinité et applications à des populations sauvages
- 14:20 Irène Till-Bottraud et Lucas Mazal, GEOLAB (Clermont-Ferrand)
Facilitation et construction de niche en conditions de stress : l'apparemment a-t-il un rôle ?"
- 14:40 Aurélien Chateigner, BioForA (Orléans)
Neural networks relate Epistasis and Omnigenics
- 15:00 Stéphanie Arnoux, GAFL (Avignon)
Demographic inference reveals the molecular consequences of domestication and breeding in the tomato
- 15:20 Pause
- 15:50 Olivier Lepais, ECOBIOP (St-Pée sur Nivelles)
Génotypage de microsatellites par séquençage : aspects méthodologiques et analytiques
- 16:10 Eric Petit, ESE (Rennes)
Rôle de la connectivité passée et actuelle dans la variation de diversité génétique chez un mammifère longévif
- 16:30 Miguel Navascues, CBGP (Montpellier)
Detection of selection with genome scans of temporal differentiation: the case of partially selfing populations
- 16:50 Erwan Quéméré, CEFS (Toulouse)
SNP-based heritability estimates from genome wide relatedness matrix in wild populations
- 19:30 Dîner, restaurant **Le Jardin de la Tour** (pour les personnes inscrites)
9 rue de la tour - 84000 Avignon
04.90.85.66.50
www.restaurant-lejardindelatour.com

Mardi 15 mai

- 9:00 Atelier pratique animé par Etienne Klein sur les méthodes génétiques d'assignation de parenté
- 12:30 Déjeuner à la cantine
- 13:30 Suite de l'atelier
- 16:00 Fin de la réunion

Participants

Animateurs du réseau :

Stéphane De Mita	demita@gmail.com	IAM
Guillaume Evanno	guillaume.evanno@inra.fr	ESE

Participants à la réunion :

Stéphanie Arnoux	stephanie.arnoux@inra.fr	GAFL
Mathieu Buoro	mathieu.buoro@inra.fr	ECOBIOIP
Joëlle Chat	joelle.chat@inra.fr	ECOBIOIP
Aurélien Chateigner	aurelien.chateigner@inra.fr	AGPF
Mathieu Gautier	mathieu.gautier@inra.fr	CBGP
Myriam Heuertz	myriam.heuertz@inra.fr	BIOGECO
Olivier Lepais	olepais@inra.fr	ECOBIOIP
Lucas Mazal	lucas.mazal@inra.fr	GEOLAB
Miguel Navascués	miguel.navascues@inra.fr	CBGP
Eric Petit	eric.petit@inra.fr	ESE
Luis Portillo	luis.portillo@inra.fr	ESE
Erwan Quéméré	erwan.quemere@inra.fr	CEFS
Laure Taillebois	laura.taillebois@inra.fr	ECOBIOIP
Irène Till Bottraud	Irene.till@uca.fr	GEOLAB

Formateur :

Etienne Klein	etienne.klein@inra.fr	URFM
---------------	-----------------------	------

Organisation :

Ivan Scotti	ivan.scotti@inra.fr	URFM
Sylvie Muratorio	sylvie.muatorio@inra.fr	URFM

Informations pratiques

En cas de problème :

Guillaume Evanno : guillaume.evanno@inra.fr ; 02 23 48 54 45 ; 06 04 45 97 26
Stéphane De Mita : demita@gmail.com ; 03 83 39 40 52 ; 06 20 43 95 22

Hébergement :

Hôtel d'Angleterre – 29 Boulevard Raspail – 84000 Avignon, Tél. 04 90 86 34 31
www.hoteldangleterre.fr

Le réseau génétique est soutenu par le département EFPA

<http://www.efpa.inra.fr/>