

10h00-10h15: Accueil Auditorium de la Grande Galerie de l'évolution

Session 1 : Approches RAD, méthodologie

10h15-10h40 Régis Débruyne Portrait de famille du RADseq: cohérence globale et singularités.

10h40-11h05 Olivier Lepais Planification d'expérience RADseq : approche par simulation.

11h05-11h20 Sylvain Charlat How and how much does RAD-seq bias genetic diversity estimates?

11h20-11h45 Stéphanie Mariette How much can we trust in in silico detected RADseq loci and SNPs?

11h45-12h05 : PAUSE CAFE

Session 2 : Génomique des populations, adaptation

12h05-12h30 Pierre-Alexandre Gagnaire Histoire évolutive de la divergence éco-phénotypique parallèle entre paires d'écotypes d'une même espèce.

12h30-12h55 Charles Perrier RAD-sequencing to investigate population genomics, selection footprints and architecture of heritable traits in great and blue tits in heterogeneous habitats.

12h55-13h20 Nadir Alvarez HyRAD: un nouvel horizon génomique pour l'étude de l'ADN historique et ancien, combinant RAD sequencing et capture par hybridation.

13h20-14h30 : DEJEUNER (Cantine MNHN)

Session 3 : Phylogénomique

14h30-14h55 Gontran Sonet Phylogénie et délimitation d'espèces du complexe d'escargots terrestres *Pyramidula* par l'analyse de données RADseq.

14h55-15h10 Carole Kerdelhué Différentiation allochronique d'une population de processionnaire du pin à cycle décalé: contexte phylogénétique et histoire démographique révélés à l'aide de marqueurs RADseq.

15h10-15h25 Charles Pouchon Apport et Comparaison de données génomiques issues de NGS (Shotgun vs ddRADseq) dans l'inférence phylogénétique chez les Rosettes Géantes des paramos.

15h25-15h40 Amélia Viricel Should we pursue RAD sequencing for phylogenomics? A review of the literature.

15h40-16h10 : PAUSE CAFE

Session 4 : Hybridation

16h10-16h35 Thibaut Capblancq Hybridation et diversification chez des papillons alpins.

16h35-16h50 Claire Daguin Thiebaut Développement d'outils génomiques RADseq pour l'étude des flux de gènes intra- et interspécifiques chez les espèces marines.

16h50-17h05 Jean-Yves Rasplus When recurrent hybridization obscures phylogenetic hypotheses, the case of *Chrysocarabus* beetles.

17h05-17h15 : Mots de clôture GDR et MNHN

17h15 : FIN