



HAL
open science

Alignement de génomes bactériens : méthodes, évaluation et exemples d'applications.

Helene H. Chiapello

► To cite this version:

Helene H. Chiapello. Alignement de génomes bactériens : méthodes, évaluation et exemples d'applications.. Séminaire IRISA (Symbiose), Jan 2012, Rennes, France. hal-02806114

HAL Id: hal-02806114

<https://hal.inrae.fr/hal-02806114>

Submitted on 6 Jun 2020

HAL is a multi-disciplinary open access archive for the deposit and dissemination of scientific research documents, whether they are published or not. The documents may come from teaching and research institutions in France or abroad, or from public or private research centers.

L'archive ouverte pluridisciplinaire **HAL**, est destinée au dépôt et à la diffusion de documents scientifiques de niveau recherche, publiés ou non, émanant des établissements d'enseignement et de recherche français ou étrangers, des laboratoires publics ou privés.

Alignement de génomes bactériens : méthodes, évaluation et exemples d'applications.

Hélène Chiapello

5 janvier 2012

INRA – Jouy-en-Josas
Unité Mathématique, Informatique & Génome (MIG)