



HAL
open science

Estimation de la diversité génétique des porcs Créoles de Guadeloupe

Jean-Luc Gourdine, David Renaudeau, Michel Naves

► **To cite this version:**

Jean-Luc Gourdine, David Renaudeau, Michel Naves. Estimation de la diversité génétique des porcs Créoles de Guadeloupe. Ecole Chercheur INRA CIRAD gestion génomique des RGA en région chaude, 2012, Le Gosier, Guadeloupe, France. 2012. <hal-02807151>

HAL Id: hal-02807151

<https://hal.inrae.fr/hal-02807151v1>

Submitted on 6 Jun 2020

HAL is a multi-disciplinary open access archive for the deposit and dissemination of scientific research documents, whether they are published or not. The documents may come from teaching and research institutions in France or abroad, or from public or private research centers.

L'archive ouverte pluridisciplinaire HAL, est destinée au dépôt et à la diffusion de documents scientifiques de niveau recherche, publiés ou non, émanant des établissements d'enseignement et de recherche français ou étrangers, des laboratoires publics ou privés.



HAL Authorization

Estimation de la diversité génétique des porcs Créoles de Guadeloupe

Gourdine J-L., Renaudeau D., Naves M.

INRA UR143, French National Institute for Agricultural Research, Tropical Animal Science Unit,
97170 Petit Bourg, Guadeloupe, F.W.I., France

contact: Jean-Luc.Gourdine@antilles.inra.fr



Introduction et objectif

Le porc Créole de la Guadeloupe est la résultante des croisements entre des porcs ibériques introduits lors de la colonisation européenne dès le XVIème siècle et des porcs français (Lauvergne et Canope, 2000).

La population porcine Créole s'élèverait à environ 1 200 truies-mères (Rinaldo et al., 2003) et elle est en voie de disparition (FAO, 2007). Le porc Créole est souvent dévalorisé du fait de sa productivité et son gain de poids moins élevés qu'un porc amélioré.

L'objectif de cette étude a été d'estimer la diversité génétique de la population porcine Créole de Guadeloupe.

Matériel et méthodes

Etant donné l'absence d'organisation formelle de la production porcine Créole, un travail de recherche des éleveurs / détenteurs de porcs Créoles a été d'abord réalisé. Pour effectuer les analyses génétiques, des échantillons de sang ont été prélevés sur 38 porcs Créoles (Figure 1). Le typage a été réalisé sur 36 marqueurs microsatellites.



Figure 1. Répartition géographique des animaux typés

Résultats

A partir de l'analyse des distances génétiques entre porcs Créoles, 5 groupes d'animaux Créoles ont pu être constitués.

Ce regroupement sur la base des marqueurs est similaire au regroupement géographique des fermes.

Presque la moitié (environ 46 %) de la diversité génétique des animaux analysés se trouve à Marie-Galante.

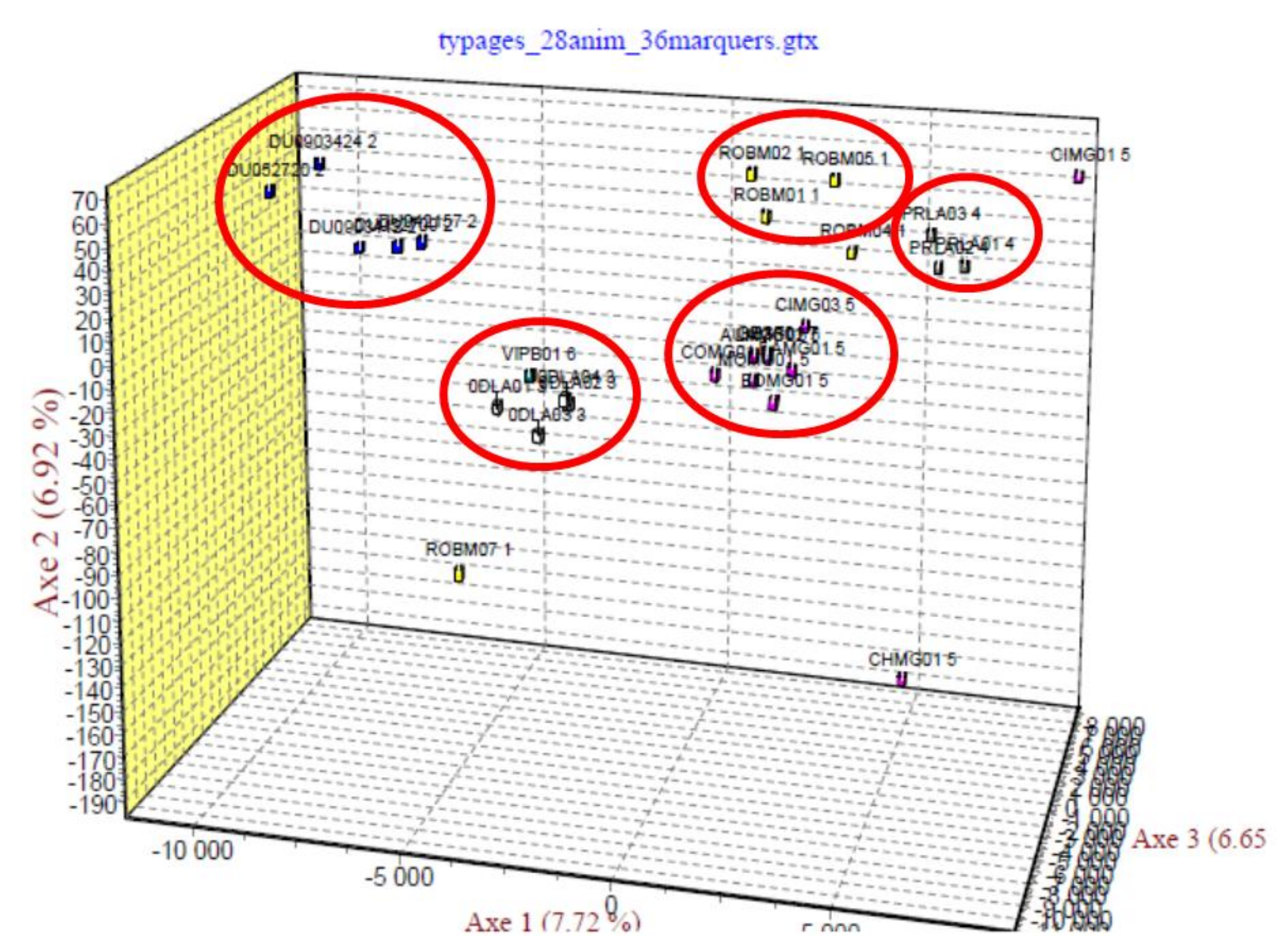


Figure 2. Distances génétiques entre porcs Créoles (proportions d'allèles partagés) à partir d'un typage sur 36 marqueurs microsatellites.

Conclusion

Les marqueurs microsatellites constituent un outil important pour évaluer la diversité génétique des populations à faibles effectifs et ils contribuent à la conservation des races en voie d'extinction.

•FAO, 2007. The State of the World's Animal Genetic Resources for Food and Agriculture. In (Ed. EbBRD Pilling.), p. 511. Rome

•Lauvergne J.J., Canope I., 2000. Etude de quelques variants colorés du porc Créole de la Guadeloupe. Annales de Génétique et de la Sélection Animale 11, 381-390

•Rinaldo D., Canope I., Christon R., Rico C., Ly J., Dieguez F., 2003. Creole pigs in Guadeloupe and Cuba : a comparison of reproduction, growth performance and meat quality in relation to dietary and environmental conditions. Pig News and Information 24, 17-26.