



**HAL**  
open science

## La plateforme de transformation de la vigne et exemple d'application en virologie

Mireille M. Perrin, Carine C. Schmitt, Claude Gertz, Isabelle Soustre-Gacougnolle, Jean J. Masson

### ► To cite this version:

Mireille M. Perrin, Carine C. Schmitt, Claude Gertz, Isabelle Soustre-Gacougnolle, Jean J. Masson. La plateforme de transformation de la vigne et exemple d'application en virologie. 13. Rencontres de Virologie Végétale, Jan 2011, Aussois, France. 1 p., 2011. hal-02811260

**HAL Id: hal-02811260**

**<https://hal.inrae.fr/hal-02811260v1>**

Submitted on 6 Jun 2020

**HAL** is a multi-disciplinary open access archive for the deposit and dissemination of scientific research documents, whether they are published or not. The documents may come from teaching and research institutions in France or abroad, or from public or private research centers.

L'archive ouverte pluridisciplinaire **HAL**, est destinée au dépôt et à la diffusion de documents scientifiques de niveau recherche, publiés ou non, émanant des établissements d'enseignement et de recherche français ou étrangers, des laboratoires publics ou privés.

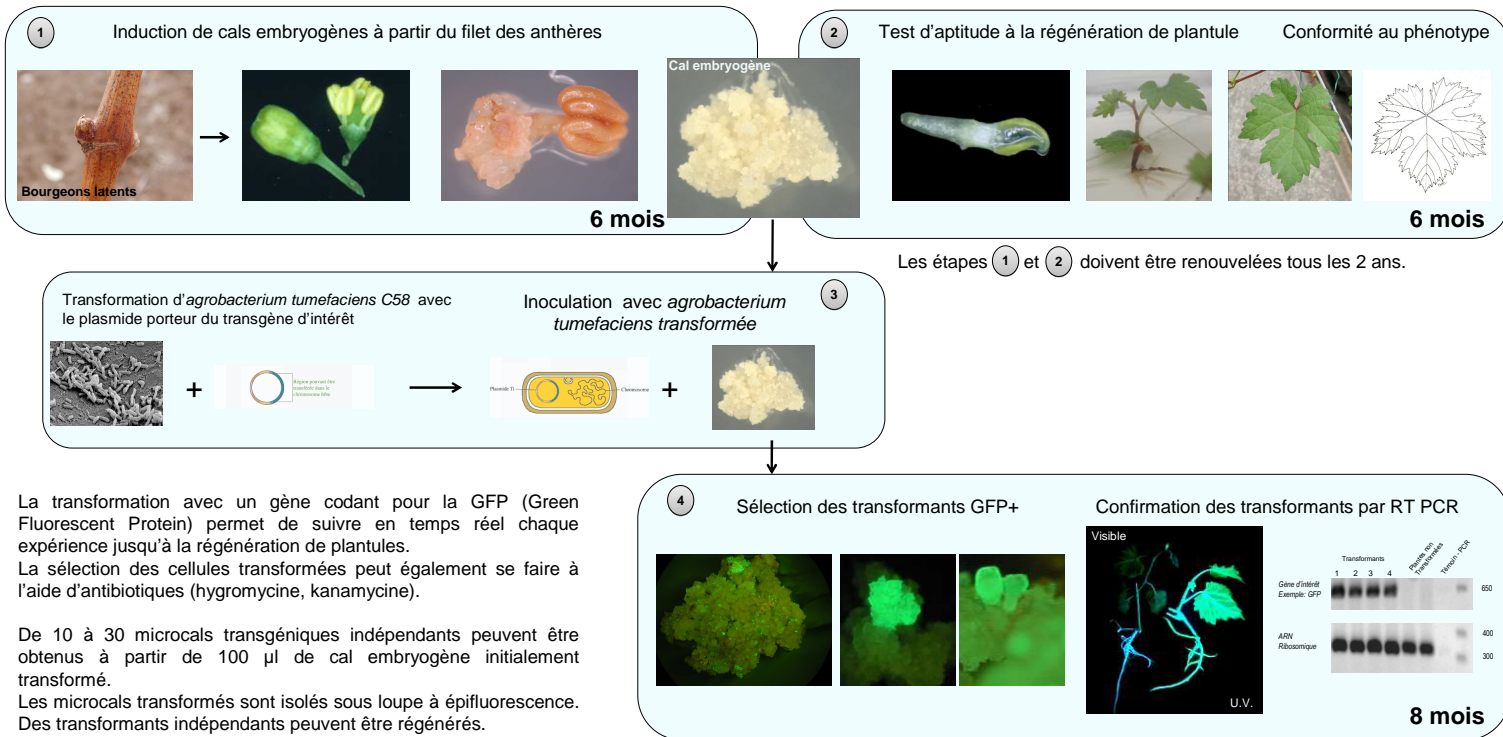
Mireille Perrin, Carine Schmitt, Claude Gertz, Isabelle Soustre-Gacougnolle\*, Jean Masson  
Virologie Vection UMR SVQV, INRA/UDS, 28 rue de Herrlisheim 68021 Colmar Cedex

\* Laboratoire Vigne Biotechnologies et Environnement, EA-3991, Université de Haute-Alsace, UFR PEPS, 68008 Colmar cedex France

plateforme-transfovigne@colmar.inra.fr

Suite au séquençage du génome de la lignée de Pinot Noir 40024 (Jaillon *et al.*, 2007), une forte demande en analyse fonctionnelle chez la vigne a émergé. Une enquête réalisée auprès des différents acteurs (2008-2009) a permis d'estimer les besoins et de co-définir le mode de fonctionnement d'une plateforme de transformation de vigne attendu par les laboratoires. Elle fait appel à une méthode de transformation génétique/régénération de la vigne optimisée et adaptée à la lignée 40024. D'autres génotypes sont proposés tels que le Chardonnay et les porte-greffes Nemadex AB et 41B.

## DESCRIPTIF



## LES ENGAGEMENTS DU LABORATOIRE DEMANDEUR ET DE LA PLATEFORME

### Pour le laboratoire demandeur

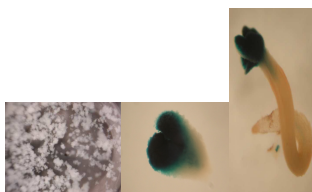
- Donner un bref résumé (250 mots) du projet scientifique qui restera confidentiel
- S'engager à réserver ce matériel végétal à des fins de recherche (c'est le cadre de la plateforme).
- Fournir l'ADN cloné dans un vecteur binaire sous forme de culot ADN ainsi que les amorces pertinentes pour l'analyse des transformants.
- Contribuer au frais de fonctionnement du projet
- Un membre de la plateforme co-auteur de la première publication en lien avec le projet conduit

### Pour la plateforme

- Introduire l'ADN dans des agrobactéries (étape ③)
- Transformer des cellules embryogènes de vigne (étape ③)
- Régénérer 10 transformants indépendants par construction (étape ④)
- Caractériser chaque transformant avec les amorces reçues
- Fournir une copie sous forme de plantule *in vitro* pour chacun des 10 transformants par construction ainsi que les agrobactéries avec les plasmides introduits
- Garder une copie *in vitro* pour sauvegarde de chacun des transformants pendant une période de 3 mois.
- Fournir en temps réel des informations sur le déroulé des expériences avec une transformation témoin en référence (chiffres, photos, etc... via la boîte mail plateforme)
- Etre à l'écoute des laboratoires partenaires pour des souhaits spécifiques de génotypes, de projets, d'accueil de personnels, d'optimisation...

## EXEMPLES D'APPLICATIONS et DEVELOPPEMENTS

### Analyse fonctionnelle de promoteur



### Création de porte-greffes transgéniques pour une résistance aux virus : utilisation de constructions hairpin



### Développements : projet VITAF financé par le DGAP INRA

- méthodes d'expression transitoire.
- transformation stable de la lignée naine à cycle rapide.

### Objectifs :

Apporter à la communauté scientifique une lignée de vigne modèle (propriété INRA Colmar) permettant la validation fonctionnelle de gènes exprimés dans les baies en 4 mois au lieu de 14 et une analyse génétique en 5 mois au lieu de 18

