

TWO MAIN GENETIC CLUSTERS WITH HIGH ADMIXTURE BETWEEN FOREST AND CULTIVATED CHESTNUT (*CASTANEA SATIVA* MILL.) IN FRANCE

ESM_3 GENETIC DIVERSITY PARAMETERS PER LOCUS FOR THE *UNIK* DATA SETS
(WITHOUT MLGS)

ESM_3A GENETIC DIVERSITY PARAMETERS PER LOCUS FOR THE *18UNIK* DATA SET

Locus	Range (pb)	Na	Ho	He	Fst	Fstp	Fis	Dest
CsCAT14	134-161	5	0.65	0.69	0.083	0.088	-0.002	0.17
CsCAT2	194-234	19	0.69	0.85	0.152	0.161	0.152	0.476
EMCs15	80-88	4	0.67	0.71	0.025	0.027	-0.427	0.064
CsCAT16	128-158	10	0.73	0.75	0.058	0.062	-0.06	0.145
CsCAT3	188-278	31	0.83	0.85	0.064	0.068	-0.029	0.317
QpZAG36	207-219	5	0.72	0.72	0.091	0.097	-0.126	0.180
CsCAT41B	210-233	11	0.58	0.77	0.158	0.167	-0.224	0.340
QpZAG110	204-234	11	0.69	0.71	0.064	0.068	-0.03	0.136
QrZAG4	109-113	2	0.18	0.17	0.159	0.167	-0.275	0.043
QrZAG96	144-165	7	0.67	0.73	0.123	0.13	-0.008	0.296
CsCAT1	177-223	11	0.7	0.7	0.092	0.097	-0.131	0.196
CsCAT15	123-156	10	0.72	0.74	0.061	0.065	-0.107	0.145
CsCAT6	157-200	16	0.79	0.86	0.125	0.132	-0.106	0.469
CsCAT8	187-212	9	0.81	0.82	0.046	0.049	-0.072	0.169
CsCAT17	131-160	10	0.81	0.82	0.091	0.096	-0.103	0.288
RIC	119-127	4	0.67	0.67	0.063	0.067	-0.123	0.120
OCI	144-158	5	0.69	0.7	0.114	0.120	-0.061	0.231
OAL	297-332	9	0.52	0.54	0.107	0.114	-0.097	0.109
Mean	-	9.94	0.673	0.711	0.093	0.099	-0.102	0.216

ESM_3B GENETIC DIVERSITY PARAMETERS PER LOCUS FOR THE *10UNIK* DATA SET

Locus	Range(pb)	Na	Ho	He	Fst	Fstp	Fis	Dest
CsCAT14	134-161	6	0.62	0.67	0.084	0.088	-0.038	0.163
CsCAT2	194-240	20	0.7	0.84	0.14	0.147	0.139	0.476
EMCs15	80-88	4	0.66	0.72	0.026	0.027	-0.431	0.065
EMCs2	158-163	3	0.6	0.66	0.145	0.153	0.006	0.225
CsCAT16	128-158	10	0.72	0.77	0.080	0.085	-0.008	0.19
CsCAT3	188-278	33	0.82	0.85	0.057	0.061	-0.009	0.282
QpZAG36	207-219	5	0.68	0.7	0.08	0.084	-0.115	0.161
CsCAT41B	210-237	13	0.61	0.74	0.137	0.144	0.169	0.316
QpZAG110	204-234	11	0.67	0.7	0.072	0.076	-0.007	0.153
QrZAG96	144-165	7	0.67	0.72	0.08	0.085	-0.02	0.201
Mean	-	11,2	0.675	0.737	0.09	0.095	-0.031	0.223